

Tuberculosis bovina en especies domésticas y silvestres

Si bien la prevalencia de tuberculosis en el ganado bovino es conocida en la Argentina, en las demás especies domésticas y en la fauna silvestre ha sido poco estudiada.

Aunque se sabe que las especies domésticas y silvestres pueden mantener y transmitir de manera eficiente la enfermedad, se desconoce el papel epidemiológico que podrían desempeñar en los ecosistemas.

Una de las principales dificultades para realizar esa determinación y potenciar la eficacia de los programas de control y erradicación de tuberculosis está constituida por las limitaciones que imponen en estas poblaciones las pruebas de diagnóstico vigentes, las que no pueden ser aplicadas de forma generalizada, y que carecen de reproductibilidad.

Desde la cátedra de Enfermedades Infecciosas de la FCV UBA viene implementándose una labor sostenida en esa área, en especial en lo que se relaciona con el desarrollo de pruebas diagnósticas idóneas.

Los especialistas han tenido una activa participación en la reintroducción de especies nativas en ecosistemas donde habían sido extintas, por ejemplo en los Esteros del Iberá, lo que requiere del conocimiento previo del estado sanitario del ejemplar a reintroducir en función del riesgo potencial que podría significar para el ecosistema.

Asimismo, si se tiene en cuenta “la creciente importancia epidemiológica de la interrelación entre la fauna silvestre, la ganadería y el ser humano, el desarrollo de herramientas de detección rápida de alta especificidad y sensibilidad es vital”, afirman desde la citada Cátedra.

En esa dirección, un trabajo presentado en las “[X Jornadas de Jóvenes Investigadores](#)” realizadas a comienzos de junio 2021 analiza el uso de la técnica de Reacción en Cadena de la Polimerasa (PCR) múltiple como herramienta diagnóstica en fauna silvestre.

La PCR múltiple permite diferenciar las especies de micobacterias más importantes en fauna silvestre en una sola reacción en comparación con las tres PCR simples usadas tradicionalmente.

De esta manera se puede identificar en un lapso de cinco horas el complejo *Mycobacterium tuberculosis*, el complejo aviar (MAC) y las micobacterias atípicas.

Tras analizar muestras de animales silvestres sin signología específica para tuberculosis los investigadores de la FCV UBA encontraron que la técnica permitió la identificación de diferentes micobacterias en muestras de jabalí, ciervo axis, venado de las pampas, tapir y pecarí de collar.

Los resultados fueron luego corroborados con las técnicas de PCR a tiempo final simples empleadas tradicionalmente en el laboratorio.

En conclusión, los especialistas señalan que la aplicación de la técnica de PCR múltiple provee información confiable sobre la presencia de micobacterias, patógenas y saprófitas, en muestras de fauna silvestre y que aporta información para estudiar la existencia de reservorios de tuberculosis en nuestro país.

(Comunicación FCV UBA, 15 de julio 2021)